

F. Sanger, S. Nicklen, and A. R. Coulson
 Proc Natl Acad Sci U S A. 1977 December; 74(12): 5463–5467.



454 Life Sciences & Roche, Inc.

Where can we find raw DNA
sequence information today?

NCBI & others...

AACGCTACTACTATTAGTAGAATTGATGCCACCTTTTCAGCTCGCGCCCCAAATGAAAATATAGCTAAACAGGTTATTGACCATTGCGAAATGTATCTAATGGTCAAACCTAAATCTACTCGTT
CGCAGAATTGGGAATCAACTGTTACATGGAATGAACTTCCAGACACCGTACTTTAGTTGCATATTTAAAACATGTTGAGCTACAGCACCAGATTGAGCAATTAAGCTCTAAGCCATCCGCA
AAAATGACCTCTTATCAAAAGGAGCAATTAAGGTACTCTCTAATCCTGACCTGTTGGAGTTTGCTTCCGGTCTGGTTGCTTTGAAGCTCGAATTAACGCGATATTTGAAGTCTTTCCG
GCTTCTCTTAATCTTTTTGATGCAATCCGCTTTGCTTCTGACTATAATAGTCAGGGTAAAGACCTGATTTTTGATTTATGGTCATTCTCGTTTTCTGAACTGTTTAAAGCATTGAGGGGGATT
CAATGAATATTTATGACGATTCCGCAGTATTGGACGCTATCCAGTCTAAACATTTTACTATTACCCCTCTGGCAAACTTCTTTTGCAAAAGCCTCTCGCTATTTTGGTTTTTATCGTCTGCTG
GTAACGAGGGTTATGATAGTGTGCTTACTATGCCTCGTAATTCCTTTGGCGTTATGTATCTGCATTAGTTGAATGTGGTATTCTAAATCTCAACTGATGAATCTTTCTACCTGTAATAA
TGTTGTTCCGTTAGTTCGTTTTATTAACGTAGATTTTTCTCCCAACGTCCTGACTGGTATAATGAGCCAGTTCTTAAATCGCATAAGGTAATTCACAATGATTAAGTTGAAATTAACCATC
TCAAGCCCAATTTACTACTCGTTCTGGTGTCTCGTCAGGGCAAGCCTTATTCACTGAATGAGCAGCTTTGTTACGTTGATTTGGGTAATGAATATCCGGTCTTGTCAAGATTACTCTTGA
TGAAGGTCAGCCAGCCTATGCGCCTGGTCTGTACACCGTTCATCTGTCTCTTTCAAAGTTGGTCAGTTCGGTCCCTTATGATTGACCGTCTGCGCCTCGTTCCGGCTAAGTAACATGGA
GCAGGTCGCGGATTCGACACAATTTATCAGGCGATGATACAAATCTCCGTTGTACTTTGTTTCGCGCTTGGTATAATCGCTGGGGGTCAAAGATGAGTGTTTAGTGTATTCTTTCGCCTCT
TTCGTTTTAGGTTGGTGCCTTCGTAGTGGCATTACGTATTTTACCCGTTTAAATGGAACTTCTCATGAAAAAGTCTTTAGTCCTCAAAGCCTCTGTAGCCGTTGCTACCCTCGTTCCGATGC
TGTCTTTCGCTGCTGAGGGTGACGATCCCGCAAAAGCGGCCTTTAACTCCCTGCAAGCCTCAGCGACCGAATATATCGGTTATGCGTGGGCGATGGTTGTTGTCATTGTGCGGCGCAACTAT
CGGTATCAAGCTGTTTAAAGAAATCACCTCGAAAGCAAGCTGATAAACCGATAACAATTAAGGCTCCTTTTGGAGCCTTTTTTTTTGGAGATTTTCAACATGAAAAAATTATTATTGCAATT
CCTTTAGTTGTTTCTTTCTATTCTCACTCCGCTGAACTGTTGAAAGTTGTTTAGCAAAACCCCATACAGAAAATTCATTTACTAACGTCTGGAAAGACGACAAAACCTTTAGATCGTTACGCT
AACTATGAGGGTTGTCTGTGGAATGCTACAGGCGTTGTAGTTTGTACTGGTGACGAACTCAGTGTTACGGTACATGGGTTCCCTATTGGGCTTGCTATCCCTGAAAATGAGGGTGGTGGCT
CTGAGGGTGGCGGTTCTGAGGGTGGCGGTTCTGAGGGTGGCGGTTACTAAACCTCCTGAGTACGGTGATACACCTATTCCGGGCTATACTTATATCAACCCTCTCGACGGCACTTATCCGC
CTGGTACTGAGCAAAACCCCGCTAATCCTAATCCTTCTTCTGAGGAGTCTCAGCCTCTAATACTTTTATGTTTCAGAATAATAGGTTCCGAAATAGGCAGGGGGCATTAACTGTTTATACGG
GCACTGTTACTCAAGGCACTGACCCCGTTAAACTTATTACCAGTACACTCCTGTATCATCAAAGCCATGTATGACGCTTACTGGAACGGTAAATTCAGAGACTGCGCTTCCATTCTGGC
TTAATGAGGATCCATTCGTTTGTGAATATCAAGGCCAATCGTCTGACCTGCCTCAACCTCCTGTCAATGCTGGCGGCGGCTCTGGTGGTGGTTCTGGTGGCGGCTCTGAGGGTGGTGGC
TCTGAGGGTGGCGGTTCTGAGGGTGGCGGCTCTGAGGGAGGCGGTTCCGGTGGTGGCTCTGGTTCCGGTGATTTTATTATGAAAAGATGGCAAACGCTAATAAGGGGGCTATGACCGA
AAATGCCGATGAAAACGCGCTACAGTCTGACGCTAAAGGCCAACTTGATTCTGTGCTACTGATTACGGTGCTGCTATCGATGGTTTCATTGGTGACGTTTCCGGCCTTGCTAATGGTAATG
GTGCTACTGGTGATTTTGTGCTGGCTCTAATCCCAAATGGCTCAAGTCGGTGACGGTGATAATCACCTTAAATGAATAATTTCCGTCAATATTTACCTTCCCTCCCTCAATCGGTTGAATGTC
GCCCTTTGTCTTTAGCGCTGGTAAACCATATGAATTTCTATTGATTGTGACAAAATAAACTTATTCCGTGGTGTCTTTGCGTTTTCTTTATATGTTGCCACCTTTATGTATGATTTTCTACGTT
TGCTAACATACTGCGTAATAAGGAGTCTAATCATGCCAGTTCTTTGGGTATTCCGTTATTATTGCGTTTCCCTCGGTTTCTTCTGGTAACTTTGTTCCGGCTATCTGCTTACTTTTCTTAAAA
GGGCTTCGGTAAGATAGCTATTGCTATTTTATTGTTTCTTGTCTTATTATTGGGCTTAACTCAATTCTTGTGGGTTATCTCTCTGATATTAGCGCTCAATTACCCTCTGACTTTGTTGAGGGT
TTCAGTTAATTTCTCCCGTCTAATGCGCTTCCCTGTTTTTATGTTATTCTCTCTGTAAAGGCTGCTATTTTCAATTTTACGTTAAACAAAAAATCGTTTCTTATTGATTGGGATAAATAATATG
GCTGTTTATTTTGTAACTGGCAAATTAGGCTCTGGAAAGACGCTCGTTAGCGTTGGTAAGATTGAGGATAAAATTGTAGCTGGGTGCAAATAGCAACTAATCTTGATTTAAGGCTTCAAAA
CCTCCCGCAAGTCGGGAGGTTTCGCTAAAACGCCTCGCGTTCTTAGAATACCGGATAAGCCTTCTATATCTGATTTGCTTGCTATTGGGCGCGGTAATGATTCCTACGATGAAAATAAAAACG
GCTTGCTTGTCTCGATGAGTGCAGTACTTGGTTTAAATACCCGTTCTTGGAAATGATAAGGAAAGACAGCCGATTATTGATTGGTTTCTACATGCTCGTAAATTAGGATGGGATATTATTTTCT
TGTTGAGGACTTATCTATTGTTGATAAACAGGCGGCTTCTGCATTAGCTGAACATGTTGTTTATTGTCGTCGCTGGACAGAATACTTTACCTTTTGTGCGGTACTTTATATTCTCTTATTACTG
GCTCGAAAATGCCTCTGCCTAAATTACATGTTGGCGTTGTTAAATATGGCGATTCTCAATTAAGCCCTACTGTTGAGCGTTGGCTTTATACTGGTAAGAATTTGTATAACGCATATGATACTAA
ACAGGCTTTTTCTAGTAATTATGATTCCGGTGTATTCTTATTAAACGCCTTATTATCACACGGTTCGGTATTTCAAACCATTAAATTTAGGTCAGAAGATGAAATTAATACTAAATATATTTGAA
AAAGTTTTCTCGCGTTCTTTGTCTTGCATTGGATTGTCATCAGCATTACATATAGTTATATAACCCAACCTAAGCCGGAGGTTAAAAAGGTAGTCTCTCAGACCTATGATTTTGATAAATTC
ACTATTGACTCTTCTCAGCGTCTTAATCTAAGCTATCGCTATGTTTTCAAGGATTCTAAGGGAAAATTAATTAATAGCGACGATTACAGAAGCAAGGTTATTCACTCACATATATTGATTTATG
TACTGTTTCCATTAATAAAAGGTAATTCAAATGAAATTGTTAAATGTAATTAATTTGTTTTCTTGATGTTTGTTCATCATCTTCTTTGCTCAGGTAATTGAAATGAATAATTCGCCTCTGCGCG
ATTTTGTAACCTTGGTATTCAAAGCAATCAGGCGAATCCGTTATTGTTTCTCCCGATGTAAGGTAAGTACTGTTACTGTATATTATCATCTGACGTTAAACCTGAAAATCTACGCAATTTCTTTATTCT
GTTTTACGTGCTAATAATTTTATGATGTTGGTTCAATTCCTTCCATAATTCAGAAGTATAATCCAAACAATCAGGATTATATTGATGAATTGCCATCATCTGATAATCAGGAATATGATGATAAT
TCCGCTCCTTCTGGTGGTTTCTTTGTTCCGCAAAATGATAATGTTACTCAAATTTTAAATTAATAACGTTCCGGGCAAAGGATTAATAACGAGTTGTGCAATTGTTTGTAAGTCTAATACTT
CTAAATCCTCAAATGTATTATCTATTGACGGCTCTAATCTATTAGTTGTTAGTGCACCTAAAGATATTTTAGATAACCTTCTCAATTCTTTCTACTGTTGATTTGCCAACTGACCAGATATTGA
TTGAGGGTTTATGATTTGAGGTTGAGCAAGGTGATGCTTTAGATTTTTCAATTTGCTGCTGGCTCTCAGCGTGGCACTGTTGCAGGCGGTGTTAATACTGACCGCCTCACCTCTGTTTTATCTT
CTGCTGGTGGTTCGTTCCGGTATTTTAAATGGCGATGTTTTAGGGCTATCAGTTCGCGCATTAAGACTAATAGCCATTCAAATAATTGTCTGTGCCACGTATTCTTACGCTTTCAGGTCAGA
AGGGTTCTATCTCTGTTGGCCAGAATGTCCCTTTTATTACTGGTTCGTGTGACTGGTGAATCTGCCAATGTAATAATCCATTTACAGACGATTGAGCGTCAAATGTAGGTATTTCCATGAGCG
TTTTTCTGTTGCAATGGCTGGCGGTAATATTGTTCTGGATATTACCAGCAAGGCCGATAGTTTGGAGTTCTTCTACTCAGGCAAGTGTATTACTAATCAAAGAAGTATTGCTACAACGG
TTAATTTGCGTGATGGACAGACTCTTTTACTCGGTGGCCTCACTGATTATAAAAACACTTCTCAAGATTCTGGCGTACCGTTCCTGTCTAAAATCCCTTAAATCGGCCTCCTGTTTAGCTCC
GCTCTGATTCCAACGAGGAAAGCACGTTATACGTGCTCGTCAAAGCAACCATAGTACGCGCCCTGTAGCGGCGCATTAAAGCGCGGCGGGTGTGGTGGTTACGCGCAGCGTGACCGCTAC
ACTTGCCAGCGCCCTAGCGCCCGCTCCTTTGCTTTCTTCCCTTCTTCTCGCCACGTTCCGCGGCTTTCCCGTCAAGCTCTAAATCGGGGGCTCCCTTTAGGGTTCCGATTTAGTGCT
TTACGGCACCTCGACCCCAAAAACTTGATTTGGGTGATGGTTCACGTAGTGGGCCATCGCCCTGATAGACGGTTTTTCCGCCCTTTGACGTTGGAGTCCACGTTCTTTAATAGTGGACTCT
TGTTCCAAACTGGAACAACACTCAACCCTATCTCGGGCTATTCTTTTATTGATTTATAAGGGATTTTGGCGATTTCCGGCCTATTGGTTAAAAAATGAGCTGATTTAACAAAAATTAACGCGAATTT
TAACAAAATATTAACGTTTACAATTTAAATATTTGCTTATACAATCTTCTGTTTTTGGGGCTTTTCTGATTATCAACCGGGGTACATATGATTGACATGCTAGTTTTACGATTACCGTTCATCGA
TTCTCTTGTGTTGCTCCAGACTCTCAGGCAATGACCTGATAGCCTTTGTAGACCTCTCAAAAATAGCTACCCTCTCCGGCATGAATTTATCAGCTAGAACGGTTGAATATCATATTGATGGTGA
TTTACTGTCTCCGGCCTTTCTCACCCCTTTGAATCTTACCTACACATACTCAGGCATTGCATTTAAATATATGAGGGTTCTAAAAATTTTTATCCTTGCCTTGAATAAAGGCTTCTCCG
CAAAAGTATTACAGGGTCATAATGTTTTGGTACAACCGATTTAGCTTTATGCTCTGAGGCTTATTGCTTAAATTTGCTAATTTGCTAATTTGCTTGCCTTGCCTGTATGATTTATTGGATGTT

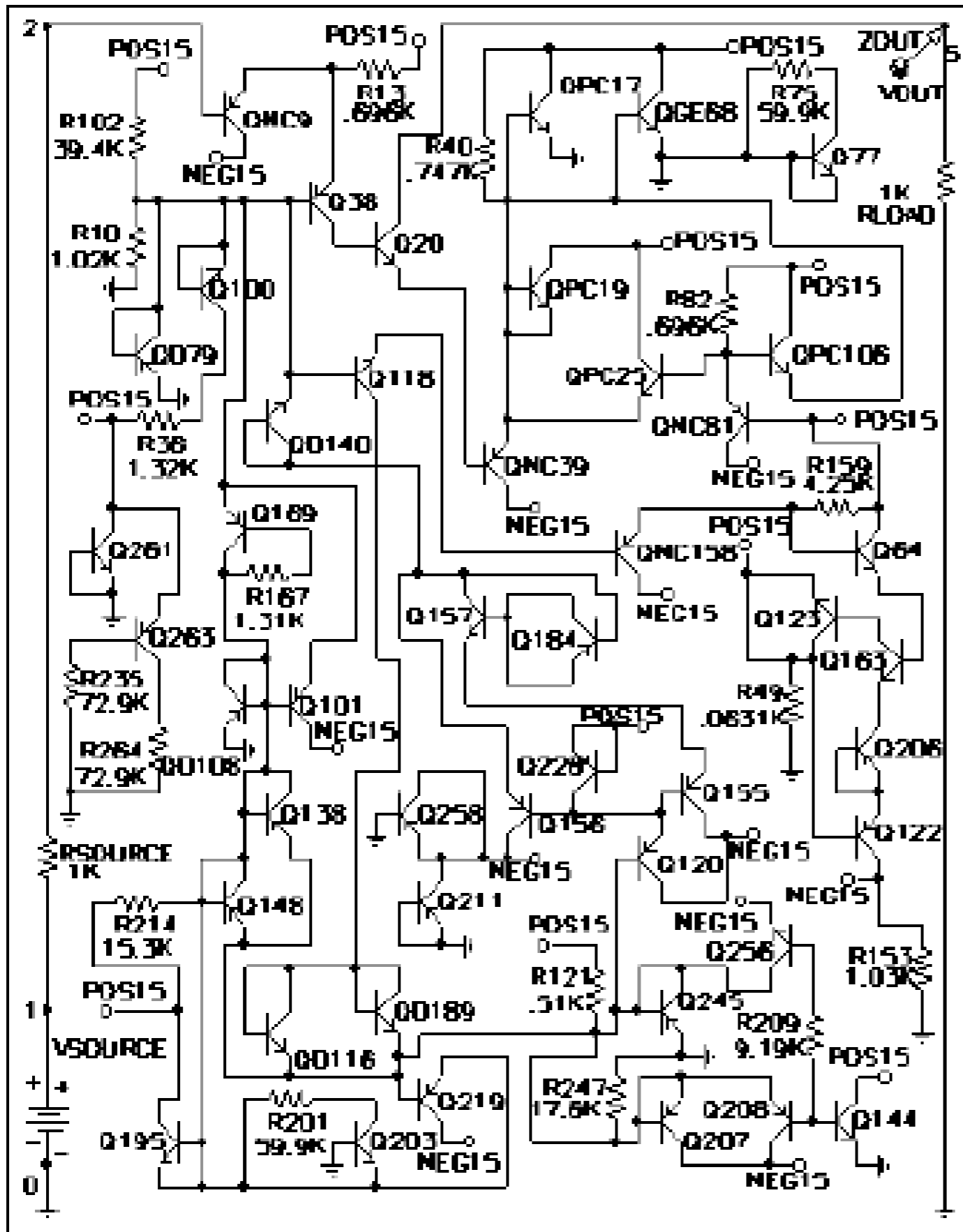
AACGCTACTACTATTAGTAGAATTGATGCCACCTTTTCAGCTCGCGCCCCAAATGAAAATATAGCTAAACAGGTTATTGACCATTGCGAAATGTATCTAATGGTCAAACCTAAATCTACTCGTT
CGCAGAATTGGGAATCAACTGTTACATGGAATGAACTTCCAGACACCGTACTTTAGTTGCATATTTAAAACATGTTGAGCTACAGCACCAGATTGAGCAATTAAGCTCTAAGCCATCCGCA
AAAATGACCTCTTATCAAAAGGAGCAATTAAGGTACTCTCTAATCCTGACCTGTTGGAGTTTGCTTCCGGTCTGGTTGCTTTGAAGCTCGAATTAACGCGATATTTGAAGTCTTTCCG
GCTTCTCTTAATCTTTTTGATGCAATCCGCTTTGCTTCTGACTATAATAGTCAGGGTAAAGACCTGATTTTTGATTTATGGTCATTCTCGTTTTCTGAACTGTTTAAAGCATTGAGGGGGATT
CAATGAATATTTATGACGATTCCGCAGTATTGGACGCTATCCAGTCTAAACATTTTACTATTACCCCTCTGGCAAACTTCTTTTGCAAAAGCCTCTCGCTATTTTGGTTTTTATCGTCTGCTG
GTAAACGAGGGTTATGATAGTGTGCTTACTATGCCTCGTAATTCCTTTTGGCGTTATGTATCTGCATTAGTTGAATGTGGTATTCTAAATCTCAACTGATGAATCTTTCTACCTGTAATAA
TGTTGTTCCGTTAGTTCGTTTTATTAACGTAGATTTTTCTTCCAACGTCCTGACTGGTATAATGAGCCAGTTCTTAAAATCGCATAAGGTAATTCACAATGATTAAGTTGAAATTAACCATC
TCAAGCCCAATTTACTACTCGTTCTGGTGTCTCGTCAGGGCAAGCCTTATTCACTGAATGAGCAGCTTTGTTACGTTGATTTGGGTAATGAATATCCGGTCTTGTCAAGATTACTCTTGA
TGAAGGTCAGCCAGCCTATGCGCCTGGTCTGTACACCGTTCATCTGTCTCTTTCAAAGTTGGTCAGTTCGGTTCCTTATGATTGACCGTCTGCGCCTCGTTCCGGCTAAGTAACATGGA
GCAGGTCGCGGATTCGACACAATTTATCAGGCGATGATACAAATCTCCGTTGTACTTTGTTTCGCGCTTGGTATAATCGCTGGGGGTCAAAGATGAGTGTTTTAGTGTATTCTTTCCGCTCT
TTCCGTTTTAGGTTGGTGCCTTCGTAGTGGCATTACGTATTTTACCCGTTTAAATGGAACTTCCTCATGAAAAAGTCTTTAGTCCTCAAAGCCTCTGTAGCCGTTGCTACCCTCGTTCCGATGC
TGTCTTTGCTGCTGAGGGTGACGATCCCGCAAAGCGGCCTTTAACTCCCTGCAAGCCTCAGCGACCGAATATATCGGTTATGCGTGGGCGATGGTTGTTGTCATTGTGCGGCGCAACTAT
CGGTATCAAGCTGTTTAAAGAAATTCACCTCGAAAGCAAGCTGATAAACCGATAACAATTAAGGCTCCTTTTGGAGCCTTTTTTTTTGGAGATTTTCAACATGAAAAAATTATTATTCGCAATT
CCTTTAGTTGTTTCTTTCTATTCTCACTCCGCTGAACTGTTGAAAGTTGTTTAGCAAAACCCCATACAGAAAATTCATTTACTAACGTCTGGAAAGACGACAAAACCTTTAGATCGTTACGCT
AACTATGAGGGTGTCTGTGGAATGCTACAGGCGTTGTAGTTTGTACTGGTGACGAACTCAGTGTTACGGTACATGGGTTTCTATTGGGCTTGCTATCCCTGAAAATGAGGGTGGTGGCT
CTGAGGGTGGCGGTTCTGAGGGTGGCGGTTCTGAGGGTGGCGGTTACTAAACCTCCTGAGTACGGTGATACACCTATTCCGGGCTATACTTATATCAACCCTCTCGACGGCACTTATCCGC
CTGGTACTGAGCAAAACCCCGCTAATCCTAATCCTTCTTTGAGGAGTCTCAGCCTCTAATACTTTTATGTTTCAGAATAATAGGTTCCGAAATAGGCAGGGGGCATTAACTGTTTATACGG
GCACTGTTACTCAAGGCACTGACCCCGTTAAACTTATTACCAGTACACTCCTGTATCATCAAAGCCATGTATGACGCTTACTGGAACGGTAAATTCAGAGACTGCGCTTTCCATTCTGGC
TTAATGAGGATCCATTCGTTTGTGAATATCAAGGCCAATCGTCTGACCTGCCTCAACCTCCTGTCAATGCTGGCGGCGGCTCTGGTGGTGGTTCTGGTGGCGGCTCTGAGGGTGGTGGC
TCTGAGGGTGGCGGTTCTGAGGGTGGCGGCTCTGAGGGAGGCGGTTCCGGTGGTGGCTCTGGTTCCGGTGATTTTATTATGAAAAGATGGCAAACGCTAATAAGGGGGCTATGACCGA
AAATGCCGATGAAAACGCGCTACAGTCTGACGCTAAAGGCAAACCTTATTCTGTGCTACTGATTACGGTGCTGCTATCGATGGTTTTCATTGGTGACGTTTCCGGCCTTGCTAATGGTAATG
GTGCTACTGGTGAATTTGCTGGCTCTAATCCCAAATGGCTCAAGTCGGTGACGGTGATAATTCACCTTTAATGAATAATTTCCGTCAATATTTACCTTCCCTCCCTCAATCGGTTGAATGTC
GCCCTTTTGTCTTTAGCGCTGGTAAACCATATGAATTTCTATTGATTGTGACAAAATAAATTTTCCGTGGTGTCTTTGCGTTTTCTTTTATATGTTGCCACCTTTATGTATGATTTTCTACGTT
TGCTAACATACTGCGTAATAAGGAGTCTTAATCATGCCAGTTCTTTGGGTATTCCGTTATTATTGCGTTTTCTCGGTTTCTTCTGGTAACTTTGTTCCGGCTATCTGCTTACTTTTCTTAAAA
GGGCTTCGGTAAGATAGCTATTGCTATTTTATTGTTTCTTGTCTTATTATTGGGCTTAACTCAATTTGTGGGTTATCTCTCTGATATTAGCGCTCAATTACCCTCTGACTTTGTTTCCAGGGTG
TTCAGTTAATTTCTCCCGTCTAATGCGCTTCCCTGTTTTTATGTTATTCTCTCTGTAAAGGCTGCTATTTTCAATTTTACGTTAAACAAAAAATCGTTTCTTATTGGATTGGGATAAATAATATG
GCTGTTTATTTTGTAACTGGCAAATTAGGCTCTGGAAAGACGCTCGTTAGCGTTGGTAAGATTGAGGATAAAATGTAGCTGGGTGCAAATAGCAACTAATCTTGATTTAAGGCTTCAA
CCTCCCGCAAGTCGGGAGGTTTCGCTAAAACGCCTCGCGTTCTTAGAATACCGGATAAGCCTTCTATATCTGATTTGCTTGCTATTGGGCGCGGTAATGATTCCTACGATGAAAATAAAAACG
GCTTGCTTGTCTCGATGAGTGCAGTACTTGGTTAATACCCGTTCTTGGAAATGATAAGGAAAGACAGCCGATTATTGATTGGTTTCTACATGCTCGTAAATTAGGATGGGATATTATTTTCT
TGTTCCAGGACTTATCTATTGTTGATAAACAGGCGGTTCTGCATTAGCTGAACATGTTGTTTATTGTCGTCGCTGGACAGAATACTTTACCTTTTGTGCGGACTTTTATATTCTTATTACTG
GCTCGAAAATGCCTCTGCCTAAATTACATGTTGGCGTTGTTAAATATGGCGATTCTCAATTAAGCCCTACTGTTGAGCGTTGGCTTTTACTGGTAAGAATTTGTATAACGCATATGATACTAA
ACAGGCTTTTTCTAGTAATTATGATTCCGGTGTATTATTCTTATTTAACGCCTTATTATCACACGGTTCGGTATTTCAAACCATTAAATTTAGGTCAGAAGATGAAATTAATAACTAAAATATATTTGAA
AAAGTTTTCTCGCGTTCTTTGTCTTGCATTGGATTGCATCAGCATTACATATAGTTATATAACCCAACCTAAGCCGGAGGTTAAAAAGGTAGTCTCTCAGACCTATGATTTTGATAAATTC
ACTATTGACTCTTCTCAGCGTCTTAATCTAAGCTATCGCTATGTTTTCAAGGATTCTAAGGGAAAATTAATTAATAGCGACGATTACAGAAGCAAGGTTATTCACTCACATATATTGATTTATG
TACTGTTTCCATTAATAAAAGGTAATTCAAATGAAATTGTTAAATGTAATTAATTTGTTTTCTTGATGTTTGTTCATCATCTTCTTTTGTCTCAGGTAATTGAAATGAATAATTCGCCTCTGCGCG
ATTTTGTAACTTGGTATTCAAAGCAATCAGGCGAATCCGTTATTGTTTCTCCCGATGTAAGGTAAGTACTGTTACTGTATATTATCATCTGACGTTAAACCTGAAAATCTACGCAATTTCTTTATTCT
GTTTTACGTGCTAATAATTTTATGATGTTGGTTCAATTCCTTCCATAATTCAGAAGTATAATCCAAACAATCAGGATTATATTGATGAATTGCCATCATCTGATAATCAGGAATATGATGATAAT
TCCGCTCCTTCTGGTGGTTTCTTTGTTCCGCAAATGATAATGTTACTCAAACCTTTTAAAATTAATAACGTTCCGGGCAAAGGATTAATAACGAGTTGTGCAATTGTTTGTAAAGTCTAATACTT
CTAAATCCTCAAATGTATTATCTATTGACGGCTCTAATCTATTAGTTGTTAGTGCACCTAAAGATATTTTAGATAACCTTCTCAATTCCTTTCTACTGTTGATTTGCCAACTGACCAGATATTGA
TTGAGGGTTTATGATTTGAGGTTGAGCAAGGTGATGCTTTAGATTTTTTCAATTTGCTGCTGGCTCTCAGCGTGGCACTGTTGCAGGCGGTGTTAATACTGACCGCCTCACCTCTGTTTTATCTT
CTGCTGGTGGTTCGTTCCGGTATTTTAAATGGCGATGTTTTAGGGCTATCAGTTCGCGCATTAAGACTAATAGCCATTCAAATAATTGTCTGTGCCACGTATTCTTACGCTTTCCAGGTCAGA
AGGGTTCTATCTCTGTTGGCCAGAATGTCCCTTTTATTACTGGTTCGTGTGACTGGTGAATCTGCCAATGTAATAATCCATTTCCAGACGATTGAGCGTCAAATGTAGGTATTTCCATGAGCG
TTTTTCTGTTGCAATGGCTGGCGGTAATATTGTTCTGGATATTACCAGCAAGGCCGATAGTTTGGAGTTCTTCTACTCAGGCAAGTGTATTACTAATCAAAGAAGTATTGCTACAACGG
TTAATTTGCGTGATGGACAGACTCTTTTACTCGGTGGCCTCACTGATTATAAAAACACTTCTCAAGATTCTGGCGTACCGTTCTGTCTAAAATCCCTTTAATCGGCCTCCTGTTTAGCTCC
GCTCTGATTCCAACGAGGAAAGCACGTTATACGTGCTCGTCAAAGCAACCATAGTACGCGCCCTGTAGCGGCGCATTAAAGCGCGGCGGGTGTGGTGGTTACGCGCAGCGTGACCGCTAC
ACTTGCCAGCGCCCTAGCGCCCGCTCCTTTGCTTTCTTCCCTTCTTCTCGCCACGTTCCGCGGCTTTCCCGTCAAGCTCTAAATCGGGGGCTCCCTTTAGGGTTCCGATTTAGTGCT
TTACGGCACCTCGACCCCAAAAACTTGATTTGGGTGATGGTTCACGTAGTGGGCCATCGCCCTGATAGACGGTTTTTCCGCCCTTTGACGTTGGAGTCCACGTTCTTTAATAGTGGACTCT
TGTTCCAAACTGGAACAACACTCAACCCTATCTCGGGCTATTCTTTTATTATAAGGGATTTTGGCGATTTCCGGCCTATTGGTTAAAAAATGAGCTGATTTAACAAAAATTAACGCGAATTT
TAACAAAATATTAACGTTTACAATTTAAATATTTGCTTATACAATCTTCCCTGTTTTTGGGGCTTTTCTGATTATCAACCGGGGTACATATGATTGACATGCTAGTTTTACGATTACCGTTCATCGA
TTCTCTTGTGTTGCTCCAGACTCTCAGGCAATGACCTGATAGCCTTTGTAGACCTCTCAAAAATAGCTACCCTCTCCGGCATGAATTTATCAGCTAGAACGGTTGAATATCATATTGATGGTGA
TTTACTGTCTCCGGCCTTTCTCACCCCTTTTGAATCTTACCTACACATACTCAGGCATTGCATTTAAAATATATGAGGGTTCTAAAAATTTTTATCCTTGCCTTGAATAAAGGCTTCTCCG
CAAAGTATTACAGGGTCATAATGTTTTTGGTACAACCGATTTAGCTTTATGCTCTGAGGCTTTATTGCTTAATTTTGGCTAATTTTGCCTTGCCTGTATGATTTATTGGATGTT

AACGCTACTACTATTAGTAGAATTGATGCCACCTTTTCAGCTCGCGCCCCAAATGAAAATATAGCTAAACAGGTTATTGACCATTGCGAAATGTATCTAATGGTCAAACCTAAATCTACTCGTT
CGCAGAATTGGGAATCAACTGTTACATGGAATGAACTTCCAGACACCGTACTTTAGTTGCATATTTAAAACATGTTGAGCTACAGCACCAGATTGAGCAATTAAGCTCTAAGCCATCCGCA
AAAATGACCTCTTATCAAAAGGAGCAATTAAGGTACTCTCTAATCCTGACCTGTTGGAGTTTGCTTCCGGTCTGGTTGCTTTGAAGCTCGAATTAACGCGATATTTGAAGTCTTTCCG
GCTTCTCTTAATCTTTTTGATGCAATCCGCTTTGCTTCTGACTATAATAGTCAGGGTAAAGACCTGATTTTTGATTTATGGTCATTCTCGTTTTCTGAACTGTTTAAAGCATTGAGGGGGATT
CAATGAATATTTATGACGATTCCGCAGTATTGGACGCTATCCAGTCTAAACATTTTACTATTACCCCTCTGGCAAACTTCTTTTGCAAAAGCCTCTCGCTATTTTGGTTTTTATCGTCTGCTG
GTAAACGAGGGTTATGATAGTGTGCTTACTATGCCTCGTAATTCCTTTTGGCGTTATGTATCTGCATTAGTTGAATGTGGTATTCCCTAAATCTCAACTGATGAATCTTTCTACCTGTAATAA
TGTTGTTCCGTTAGTTCGTTTTATTAACGTAGATTTTTCTTCCAACGTCTGACTGGTATAATGAGCCAGTTCTTAAAATCGCATAAGGTAATTCACAATGATTAAGTTGAAATTAACCATC
TCAAGCCCAATTTACTACTCGTTCTGGTGTCTCGTCAGGGCAAGCCTTATTCACTGAATGAGCAGCTTTGTTACGTTGATTTGGGTAATGAATATCCGGTCTTGTCAAGATTACTCTTGA
TGAAGGTCAGCCAGCCTATGCGCCTGGTCTGTACACCGTTCATCTGTCTCTTTCAAAGTTGGTCAGTTCGGTTCCTTATGATTGACCGTCTGCGCCTCGTTCCGGCTAAGTAACATGGA
GCAGGTCGCGGATTCGACACAATTTATCAGGCGATGATACAAATCTCCGTTGTACTTTGTTTCGCGCTTGGTATAATCGCTGGGGGTCAAAGATGAGTGTTTAGTGTATTCTTTCGCCTCT
TTCGTTTTAGGTTGGTGCCTTCGTAGTGGCATTACGTATTTTACCCGTTTAAATGGAACTTCCTCATGAAAAAGTCTTTAGTCTCAAAGCCTCTGTAGCCGTTGCTACCCTCGTTCCGATGC
TGTCTTTTCGCTGCTGAGGGTGACGATCCCGCAAAAGCGGCCTTTAACTCCCTGCAAGCCTCAGCGACCGAATATATCGGTTATGCGTGGGCGATGGTTGTTGTCAATTGTGCGCGCAACTAT
CGGTATCAAGCTGTTTAAAGAAATTCACCTCGAAAGCAAGCTGATAAACCGATACAATTAAGGCTCCTTTTGGAGCCTTTTTTTTTGGAGATTTTCAACATGAAAAAATTATTATTCGCAATT
CCTTTAGTTGTTTCTTTCTATTCTCACTCCGCTGAACTGTTGAAAGTTGTTTAGCAAAACCCCATACAGAAAATTCATTTACTAACGTCTGGAAAGACGACAAAACCTTTAGATCGTTACGCT
AACTATGAGGGTGTCTGTGGAATGCTACAGGCGTTGTAGTTTGTACTGGTGACGAACTCAGTGTTACGGTACATGGGTTCCCTATTGGGCTTGCTATCCCTGAAAATGAGGGTGGTGGCT
CTGAGGGTGGCGGTTCTGAGGGTGGCGGTTCTGAGGGTGGCGGTTACTAAACCTCCTGAGTACGGTGATACACCTATTCCGGGCTATACTTATATCAACCCTCTCGACGGCACTTATCCGC
CTGGTACTGAGCAAAACCCCGCTAATCCTAATCCTTCTTTGAGGAGTCTCAGCCTCTAATACTTTTATGTTTCAGAATAATAGGTTCCGAAATAGGCAGGGGGCATTAACTGTTTATACGG
GCACTGTTACTCAAGGCACTGACCCCGTTAAACTTATTACCAGTACACTCCTGTATCATCAAAGCCATGTATGACGCTTACTGGAACGGTAAATTCAGAGACTGCGCTTCCATTCTGGC
TTAATGAGGATCCATTCGTTTGTGAATATCAAGGCCAATCGTCTGACCTGCCTAACCTCCTGTCAATGCTGGCGGCGGCTCTGGTGGTGGTTCTGGTGGCGGCTCTGAGGGTGGTGGC
TCTGAGGGTGGCGGTTCTGAGGGTGGCGGCTCTGAGGGAGGCGGTTCCGGTGGTGGCTCTGGTTCGGTGATTTTGAATATGAAAAGATGGCAAACGCTAATAAGGGGGCTATGACCGA
AAATGCCGATGAAAACGCGCTACAGTCTGACGCTAAAGGCAAACCTTATTCTGTGCTACTGATTACGGTGCTGCTATCGATGGTTTCATTGGTGACGTTTCCGGCCTTGCTAATGGTAATG
GTGCTACTGGTGAATTTGCTGGCTCTAATCCCAAATGGCTCAAGTCGGTGACGGTGATAATCACCTTTAATGAATAATTTCCGTCAATATTTACCTTCCCTCCCTCAATCGGTTGAATGTC
GCCCTTTTGTCTTTAGCGCTGGTAAACCATATGAATTTCTATTGATTGTGACAAAATAAATTTTCCGTGGTGTCTTTGCGTTTTCTTTATATGTTGCCACCTTTATGTATGATTTTCTACGTT
TGCTAACATACTGCGTAATAAGGAGTCTAATCATGCCAGTTCTTTGGGTATTCCGTTATTATTGCGTTTCCCTCGGTTTCTTCTGGTAACTTTGTTCCGGCTATCTGCTTACTTTTCTTAAAA
GGGCTTCGGTAAGATAGCTATTGCTATTTTATTGTTTCTTGTCTTATTATTGGGCTTAACTCAATTTGTGGGTTATCTCTCTGATATTAGCGCTCAATTACCCTCTGACTTTGTTTCAAGGGT
TTCAGTTAATTTCTCCCGTCTAATGCGCTTCCCTGTTTTTATGTTATTCTCTCTGTAAAGGCTGCTATTTTCAATTTTACGTTAAACAAAAAATCGTTTCTTATTGGATTGGGATAAATAATG
GCTGTTTATTTTGTAACTGGCAAATTAGGCTCTGGAAAGACGCTCGTTAGCGTTGGTAAGATTCAGGATAAAATTGTAGCTGGGTGCAAATAGCAACTAATCTTGATTTAAGGCTTCAAAA
CCTCCCGCAAGTCGGGAGGTTTCGCTAAAACGCCTCGCGTTCTTAGAATACCGGATAAGCCTTCTATATCTGATTTGCTTGCTATTGGGCGCGGTAATGATTCCTACGATGAAAATAAAAACG
GCTTGCTTGTCTCGATGAGTGCAGTACTTGGTTAATACCCGTTCTTGGAAATGATAAGGAAAGACAGCCGATTATTGATTGGTTTCTACATGCTCGTAAATTAGGATGGGATATTATTTTCT
TGTTCAAGACTTATCTATTGTTGATAAACAGGCGGTTCTGCATTAGCTGAACATGTTGTTTATTGTCGTCGCTGGACAGAATACTTTACCTTTTGTGCGGTACTTTATATTCTCTTATTACTG
GCTCGAAAATGCCTCTGCCTAAATTACATGTTGGCGTTGTTAAATATGGCGATTCTCAATTAAGCCCTACTGTTGAGCGTTGGCTTTATACTGGTAAGAATTTGTATAACGCATATGATACTAA
ACAGGCTTTTTCTAGTAATTATGATTCCGGTGTATTCTTATTAAACGCCTTATTATCACACGGTTCGGTATTTCAAACCATTAATTTAGGTCAGAAGATGAAATTAATACTAAATATATTTGAA
AAAGTTTTCTCGCGTTCTTTGTCTTGCATTGGATTGCATCAGCATTACATATAGTTATATAACCCAACCTAAGCCGGAGGTTAAAAAGGTAGTCTCTCAGACCTATGATTTTGATAAATTC
ACTATTGACTCTTCTCAGCGTCTTAATCTAAGCTATCGCTATGTTTTCAAGGATTCTAAGGGAAAATTAATTAATAGCGACGATTACAGAAGCAAGGTTATTCACTCACATATATTGATTTATG
TACTGTTTCCATTAATAAAAGGTAATTCAAATGAAATTGTTAAATGTAATTAATTTGTTTTCTTGATGTTTGTTCATCATCTTCTTTTGTCTCAGGTAATTGAAATGAATAATTCGCCTCTGCGCG
ATTTTGTAACCTTGGTATTCAAAGCAATCAGGCGAATCCGTTATTGTTTCTCCCGATGTAAGGTAAGTACTGTTACTGTATATTATCATCTGACGTTAAACCTGAAAATCTACGCAATTTCTTTATTCT
GTTTTACGTGCTAATAATTTTATGATGTTGGTTCAATTCCTTCCATAATTCAGAAGTATAATCCAAACAATCAGGATTATATTGATGAATTGCCATCATCTGATAATCAGGAATATGATGATAAT
TCCGCTCCTTCTGGTGGTTTCTTTGTTCCGCAAAATGATAATGTTACTCAAACCTTTTAAAATTAATAACGTTCCGGGCAAAGGATTAATAACGAGTTGTGCAATTGTTTGTAAAGTCTAATACTT
CTAAATCCTCAAATGTATTATCTATTGACGGCTCTAATCTATTAGTTGTTAGTGCACCTAAAGATATTTTAGATAACCTTCCCTCAATTCCTTTCTACTGTTGATTTGCCAACTGACCAGATATTGA
TTGAGGGTTTATATTTGAGGTTGAGCAAGGTGATGCTTTAGATTTTTTCAATTTGCTGCTGGCTCTCAGCGTGGCACTGTTGCAGGCGGTGTTAATACTGACCGCCTCACCTCTGTTTTATCTT
CTGCTGGTGGTTCGTTCCGGTATTTTAAATGGCGATGTTTTAGGGCTATCAGTTCGCGCATTAAGACTAATAGCCATTCAAAAATATTGTCTGTGCCACGTATTCTTACGCTTTCAGGTCAGA
AGGGTTCTATCTCTGTTGGCCAGAATGTCCCTTTTATTACTGGTTCGTGTGACTGGTGAATCTGCCAATGTAATAATCCATTTCAAGACGATTGAGCGTCAAATGTAGGTATTTCCATGAGCG
TTTTTCTGTTGCAATGGCTGGCGGTAATATTGTTCTGGATATTACCAGCAAGGCCGATAGTTTGTAGTTCTTCTACTCAGGCAAGTGTATTACTAATCAAAGAAGTATTGCTACAACGG
TTAATTTGCGTGATGGACAGACTCTTTTACTCGGTGGCCTCACTGATTATAAAAACACTTCTCAAGATTCTGGCGTACCGTTCCTGTCTAAAATCCCTTTAATCGGCCTCCTGTTTAGCTCCC
GCTCTGATTCCAACGAGGAAAGCACGTTATACGTGCTCGTCAAAGCAACCATAGTACGCGCCCTGTAGCGGCGCATTAAAGCGCGGCGGGTGTGGTGGTTACGCGCAGCGTGACCGCTAC
ACTTGCCAGCGCCCTAGCGCCCGCTCCTTTGCTTTCTTCCCTTCTTCTCGCCACGTTCCGCGGCTTTCCCGTCAAGCTCTAAATCGGGGGCTCCCTTTAGGGTTCCGATTTAGTGCT
TTACGGCACCTCGACCCCAAAAACCTTGAATTTGGGTGATGGTTCACGTAGTGGGCCATCGCCCTGATAGACGGTTTTTCCGCCCTTTGACGTTGGAGTCCACGTTCTTTAATAGTGGACTCT
TGTTCCAAACTGGAACAACACTCAACCCTATCTCGGGCTATTCTTTTGAATTTATAAGGGATTTTGGCGATTTCCGGCCTATTGGTTAAAAAATGAGCTGATTTAACAAAAATTAACGCGAATTT
TAACAAAATATTAACGTTTACAATTTAAATATTTGCTTATACAATCTTCCCTGTTTTTGGGGCTTTTCTGATTATCAACCGGGGTACATATGATTGACATGCTAGTTTTACGATTACCGTTCATCGA
TTCTCTTGTGTTGCTCCAGACTCTCAGGCAATGACCTGATAGCCTTTGTAGACCTCTCAAAAATAGCTACCCTCTCCGGCATGAATTTATCAGCTAGAACGGTTGAATATCATATTGATGGTGA
TTTGACTGTCTCCGGCCTTTCTCACCCCTTTTGAATCTTACCTACACATACTCAGGCATTGCATTTAAAATATATGAGGGTTCTAAAAATTTTTATCCTTGCCTTGAATAAAGGCTTCTCCG
CAAAAGTATTACAGGGTCATAATGTTTTGGTACAACCGATTTAGCTTTATGCTCTGAGGCTTTATTGCTTAATTTTGTCTAATTTCTTGCCTTGCCTGTATGATTTATTGGATGTT

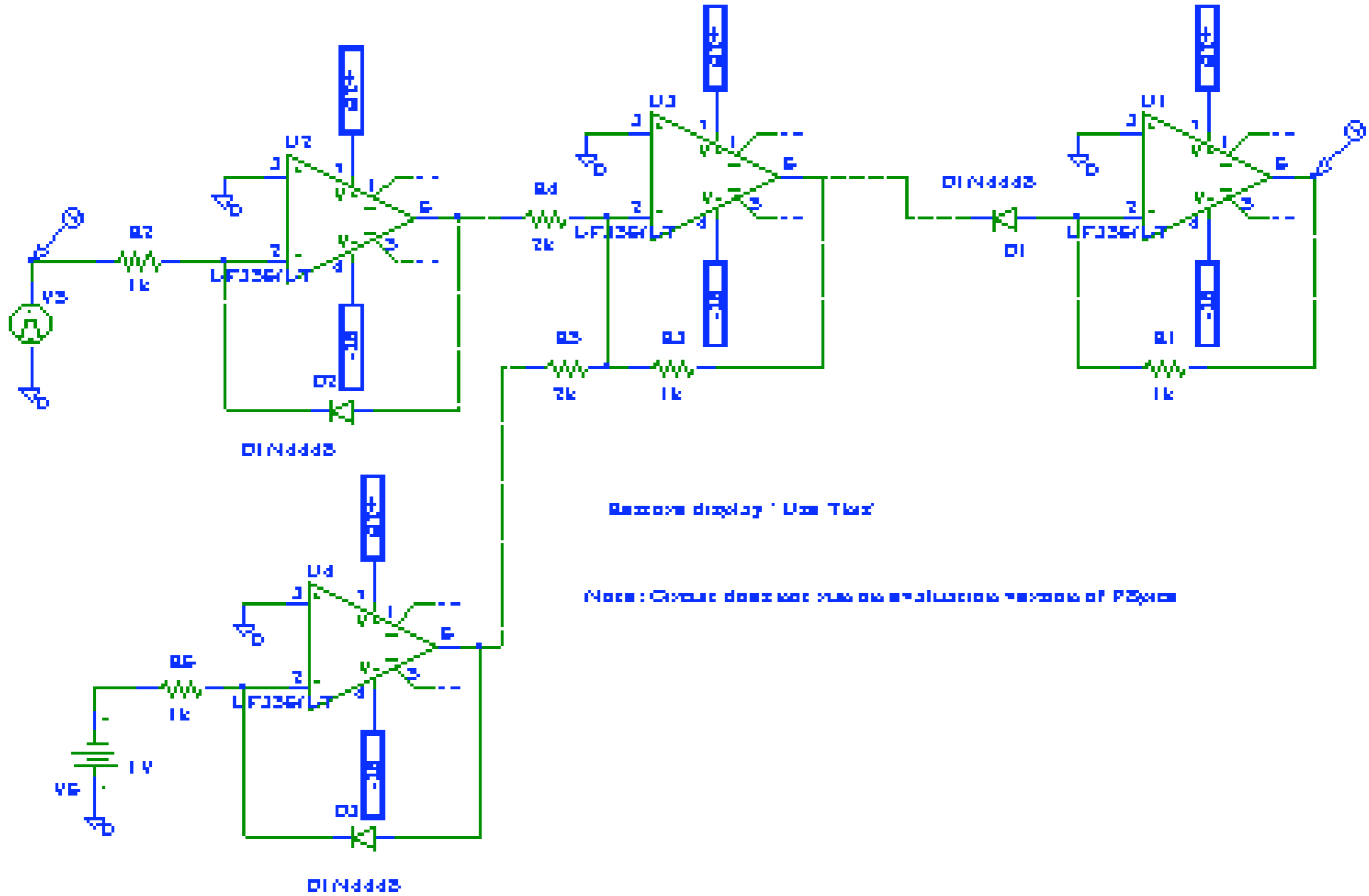
AACGCTACTACTATTAGTAGAATTGATGCCACCTTTTCAGCTCGCGCCCCAAATGAAAATATAGCTAAACAGGTTATTGACCATTGCGAAATGTATCTAATGGTCAAACCTAAATCTACTCGTT
CGCAGAATTGGGAATCAACTGTTACATGGAATGAACTTCCAGACACCGTACTTTAGTTGCATATTTAAAACATGTTGAGCTACAGCACCAGATTGAGCAATTAAGCTCTAAGCCATCCGCA
AAAATGACCTCTTATCAAAAGGAGCAATTAAGGTACTCTCTAATCCTGACCTGTTGGAGTTTGCTTCCGGTCTGGTTGCTTTGAAGCTCGAATTAACGCGATATTTGAAGTCTTTCCG
GCTTCTCTTAATCTTTTTGATGCAATCCGCTTTGCTTCTGACTATAATAGTCAGGGTAAAGACCTGATTTTTGATTTATGGTCATTCTCGTTTTCTGAACTGTTTAAAGCATTGAGGGGGATT
CAATGAATATTTATGACGATTCCGCAGTATTGGACGCTATCCAGTCTAAACATTTTACTATTACCCCTCTGGCAAACTTCTTTTGCAAAAGCCTCTCGCTATTTTGGTTTTTATCGTCGTCTG
GTAAACGAGGGTTATGATAGTGTGCTTACTATGCCTCGTAATTCCTTTTGGCGTTATGTATCTGCATTAGTTGAATGTGGTATTCTAAATCTCAACTGATGAATCTTTCTACCTGTAATAA
TGTTGTTCCGTTAGTTCGTTTTATTAACGTAGATTTTTCTTCCAACGTCTGACTGGTATAATGAGCCAGTTCTTAAAATCGCATAAGGTAATTCACAATGATTAAGTTGAAATTAACCATC
TCAAGCCCAATTTACTACTCGTTCTGGTGTCTCGTCAGGGCAAGCCTTATTCACTGAATGAGCAGCTTTGTTACGTTGATTTGGGTAATGAATATCCGGTCTTGTCAAGATTACTCTTGA
TGAAGGTCAGCCAGCCTATGCGCCTGGTCTGTACACCGTTCATCTGTCTCTTTCAAAGTTGGTCAGTTCGGTTCCTTATGATTGACCGTCTGCGCCTCGTTCCGGCTAAGTAACATGGA
GCAGGTCGCGGATTCGACACAATTTATCAGGCGATGATACAAATCTCCGTTGTACTTTGTTTCGCGCTTGGTATAATCGCTGGGGGTCAAAGATGAGTGTTTTAGTGTATTCTTTCCGCTCT
TTTCGTTTTAGGTTGGTGCCTTCGTAGTGGCATTACGTATTTTACCCGTTAATGGAACTTCCTCATGAAAAAGTCTTTAGTCCTCAAAGCCTCTGTAGCCGTTGCTACCCTCGTTCCGATGC
TGTCTTTCCGCTGCTGAGGGTGACGATCCCGCAAAGCGGCCCTTAACTCCCTGCAAGCCTCAGCGACCGAATATATCGGTTATGCGTGGGCGATGGTTGTTGTCAATTGTCCGGCGCAACTAT
CGGTATCAAGCTGTTTAAGAAATCACCTCGAAAGCAAGCTGATAAACCGATACAATTAAGGCTCCTTTTGGAGCCTTTTTTTTTGGAGATTTTCAACATGAAAAAATTATTATTCCGCAATT
CCTTTAGTTGTTTCTTTCTATTCTCACTCCGCTGAACTGTTGAAAGTTGTTTAGCAAAACCCCATACAGAAAATTCATTTACTAACGTCTGGAAAGACGACAAAACCTTTAGATCGTTACGCT
AACTATGAGGGTGTCTGTGGAATGCTACAGGCGTTGTAGTTTGTACTGGTGACGAACTCAGTGTACGGTACATGGGTTCCCTATTGGGCTTGCTATCCCTGAAAATGAGGGTGGTGGCT
CTGAGGGTGGCGGTTCTGAGGGTGGCGGTTCTGAGGGTGGCGGTTACTAAACCTCCTGAGTACGGTGATACACCTATTCCGGGCTATACTTATATCAACCCTCTCGACGGCACTTATCCGC
CTGGTACTGAGCAAAACCCCGCTAATCCTAATCCTTCTTTGAGGAGTCTCAGCCTCTAATACTTTTATGTTTCAGAATAATAGGTTCCGAAATAGGCAGGGGGCATTAACTGTTTATACGG
GCACTGTTACTCAAGGCACTGACCCCGTTAAACTTATTACCAGTACACTCCTGTATCATCAAAGCCATGTATGACGCTTACTGGAACGGTAAATTCAGAGACTGCGCTTTCCATTCTGGC
TTAATGAGGATCCATTCGTTTGTGAATATCAAGGCCAATCGTCTGACCTGCCTCAACCTCCTGTCAATGCTGGCGGCGGCTCTGGTGGTGGTTCTGGTGGCGGCTCTGAGGGTGGTGGC
TCTGAGGGTGGCGGTTCTGAGGGTGGCGGCTCTGAGGGAGGCGGTTCCGGTGGTGGCTCTGGTTCCGGTGATTTTGAATATGAAAAGATGGCAAACGCTAATAAGGGGGCTATGACCGA
AAATGCCGATGAAAACGCGCTACAGTCTGACGCTAAAGGCAAACCTTATTCTGTGCTACTGATTACGGTGCTGCTATCGATGGTTTCATTGGTGACGTTCCGGCCTTGCTAATGGTAATG
GTGCTACTGGTGAATTTGCTGGCTCTAATCCCAAATGGCTCAAGTCGGTGACGGTGATAATCACCTTAAATGAATAATTTCCGTCAATATTTACCTTCCCTCCCTCAATCGGTTGAATGTC
GCCCTTTTGTCTTTAGCGCTGGTAAACCATATGAATTTCTATTGATTGTGACAAAATAAATTTTCCGTGGTGTCTTTGCGTTTTCTTTATATGTTGCCACCTTTATGTATGATTTTCTACGTT
TGCTAACATACTGCGTAATAAGGAGTCTAATCATGCCAGTTCTTTGGGTTATTCCGTTATTATTGCGTTTTCTCGGTTTCCCTTCTGGTAACTTTGTTCCGGCTATCTGCTTACTTTTCTTAAAA
GGGCTTCGGTAAGATAGCTATTGCTATTTTATTGTTTCTTGTCTTATTATTGGGCTTAACTCAATCTTGTGGGTTATCTCTCTGATATTAGCGCTCAATTACCCTCTGACTTTGTTCCAGGGTG
TTCAGTTAATTTCTCCCGTCTAATGCGCTTCCCTGTTTTTATGTTATTCTCTCTGTAAAGGCTGCTATTTTCAATTTTGAAGTTAAACAAAAAATCGTTTCTTATTTGGATTGGGATAAATAATG
GCTGTTTATTTTGTAACTGGCAAATTAGGCTCTGGAAAGACGCTCGTTAGCGTTGGTAAGATTCAGGATAAAATTGTAGCTGGGTGCAAATAGCAACTAATCTTGATTTAAGGCTTCAA
CCTCCCGCAAGTCGGGAGGTTCCGCTAAAACGCCTCGCGTTCTTAGAATACCGGATAAGCCTTCTATATCTGATTTGCTTGCTATTGGGCGCGGTAATGATTCCTACGATGAAAATAAAAACG
GCTTGCTTGTCTCGATGAGTGCAGTACTTGGTTAATACCCGTTCTTGGAAATGATAAGGAAAGACAGCCGATTATTGATTGGTTTCTACATGCTCGTAAATTAGGATGGGATATTATTTTCT
TGTTCCAGGACTTATCTATTGTTGATAAACAGGCGGTTCTGCATTAGCTGAACATGTTGTTTATTGTCGTCGCTGGACAGAATACTTTACCTTTTGTCCGGTACTTTATATTCTCTTATTACTG
GCTCGAAAATGCCTCTGCCTAAATTACATGTTGGCGTTGTTAAATATGGCGATTCTCAATTAAGCCCTACTGTTGAGCGTTGGCTTTATACTGGTAAGAATTTGTATAACGCATATGATACTAA
ACAGGCTTTTTCTAGTAATTATGATTCCGGTGTATTCTTATTAAACGCCTTATTATCACACGGTCCGGTATTTCAAACCATTAAATTTAGGTCAGAAGATGAAATTAATAACTAAAATATATTTGAA
AAAGTTTTCTCGCGTTCTTTGTCTTGCATTGGATTGCATCAGCATTACATATAGTTATATAACCCAACCTAAGCCGGAGGTTAAAAAGGTAGTCTCTCAGACCTATGATTTTGATAAATTC
ACTATTGACTCTTCTCAGCGTCTTAATCTAAGCTATCGCTATGTTTTCAAGGATTCTAAGGGAAAATTAATTAATAGCGACGATTACAGAAGCAAGGTTATTCACTCACATATATTGATTTATG
TACTGTTTCCATTAATAAAGGTAATTCAAATGAAATTGTTAAATGTAATTAATTTGTTTTCTTGATGTTTGTTCATCATCTTCTTTTGTCTCAGGTAATTGAAATGAATAATTCGCCTCTGCGCG
ATTTTGTAACTTGGTATTCAAAGCAATCAGGCGAATCCGTTATTGTTTCTCCCGATGTAAGGTAAGTACTGTTACTGTATATTATCATCTGACGTTAAACCTGAAAATCTACGCAATTTCTTTATTCT
GTTTTACGTGCTAATAATTTTATGATGTTGGTTCAATTCCTTCCATAATTCAGAAGTATAATCCAAACAATCAGGATTATATTGATGAATTGCCATCATCTGATAATCAGGAATATGATGATAAT
TCCGCTCCTTCTGGTGGTTTCTTTGTTCCGCAAATGATAATGTTACTCAAACCTTTTAAAATTAATAACGTTCCGGGCAAAGGATTAATAACGAGTTGTGCAATTGTTTGTAAAGTCTAATACTT
CTAAATCCTCAAATGTATTATCTATTGACGGCTCTAATCTATTAGTTGTTAGTGCACCTAAAGATATTTTAGATAACCTTCTCAATTCCTTTCTACTGTTGATTTGCCAACTGACCAGATATTGA
TTGAGGGTTTGTATTTGAGGTTGAGCAAGGTGATGCTTTAGATTTTTTCAATTTGCTGCTGGCTCTCAGCGTGGCACTGTTGCAGGCGGTGTTAATACTGACCGCCTCACCTCTGTTTTATCTT
CTGCTGGTGGTTCGTTCCGGTATTTTAAATGGCGATGTTTLAGGGCTATCAGTTCGCGCATTAAGACTAATAGCCATTCAAATAATTGTCTGTGCCACGTATTCTTACGCTTTCCAGGTCAGA
AGGGTTCTATCTCTGTTGGCCAGAATGTCCCTTTTATTACTGGTTCGTGTGACTGGTGAATCTGCCAATGTAATAATCCATTTCCAGACGATTGAGCGTCAAATGTAGGTATTTCCATGAGCG
TTTTTCTGTTGCAATGGCTGGCGGTAATATTGTTCTGGATATTACCAGCAAGGCCGATAGTTTGGAGTTCTTCTACTCAGGCAAGTGTATTACTAATCAAAGAAGTATTGCTACAACGG
TTAATTTGCGTGATGGACAGACTCTTTTACTCGGTGGCCTCACTGATTATAAAAACACTTCTCAAGATTCTGGCGTACCGTTCCCTGTCTAAAATCCCTTAAATCGGCCTCCTGTTTAGCTCC
GCTCTGATTCCAACGAGGAAAGCACGTTATACGTGCTCGTCAAAGCAACCATAGTACGCGCCCTGTAGCGGCGCATTAAAGCGCGGCGGGTGTGGTGGTTACGCGCAGCGTGACCGCTAC
ACTTGCCAGCGCCCTAGCGCCCGCTCCTTTCCGCTTTCTTCCCTTCTTCTCGCCACGTTCCGCGGCTTTCCCGTCAAGCTCTAAATCGGGGGCTCCCTTTAGGGTTCCGATTTAGTGCT
TTACGGCACCTCGACCCCAAAAACTTGATTTGGGTGATGGTTCACGTAGTGGGCCATCGCCCTGATAGACGGTTTTTCCGCTTTGACGTTGGAGTCCACGTTCTTTAATAGTGGACTCT
TGTTCCAAACTGGAACAACACTCAACCCTATCTCGGGCTATTCTTTTATTGATTTATAAGGGATTTTGGCGATTTCCGGCCTATTGGTTAAAAAATGAGCTGATTTAACAATAAATTAACGCGAATTT
TAACAATAATTAACGTTTACAATTTAAATATTTGCTTATACAATCTTCCCTGTTTTTGGGGCTTTTCTGATTATCAACCGGGGTACATATGATTGACATGCTAGTTTTACGATTACCGTTCATCGA
TTCTCTTGTGTTGCTCCAGACTCTCAGGCAATGACCTGATAGCCTTTGTAGACCTCTCAAATAAGCTACCCTCTCCGGCATGAATTTATCAGCTAGAACGGTTGAATATCATATTGATGGTGA
TTTACTGTCTCCGGCCTTTCTCACCCCTTTGAATCTTACCTACACATACTCAGGCATTGCATTTAAATATATGAGGGTTCTAAAAATTTTTATCCTTGCCTTGAATAAAGGCTTCTCCG
CAAAGTATTACAGGGTCATAATGTTTTGGTACAACCGATTTAGCTTTATGCTCTGAGGCTTTATTGCTTAAATTTGCTAATTTTGCCTTGCCTGTATGATTTATTGGATGTT

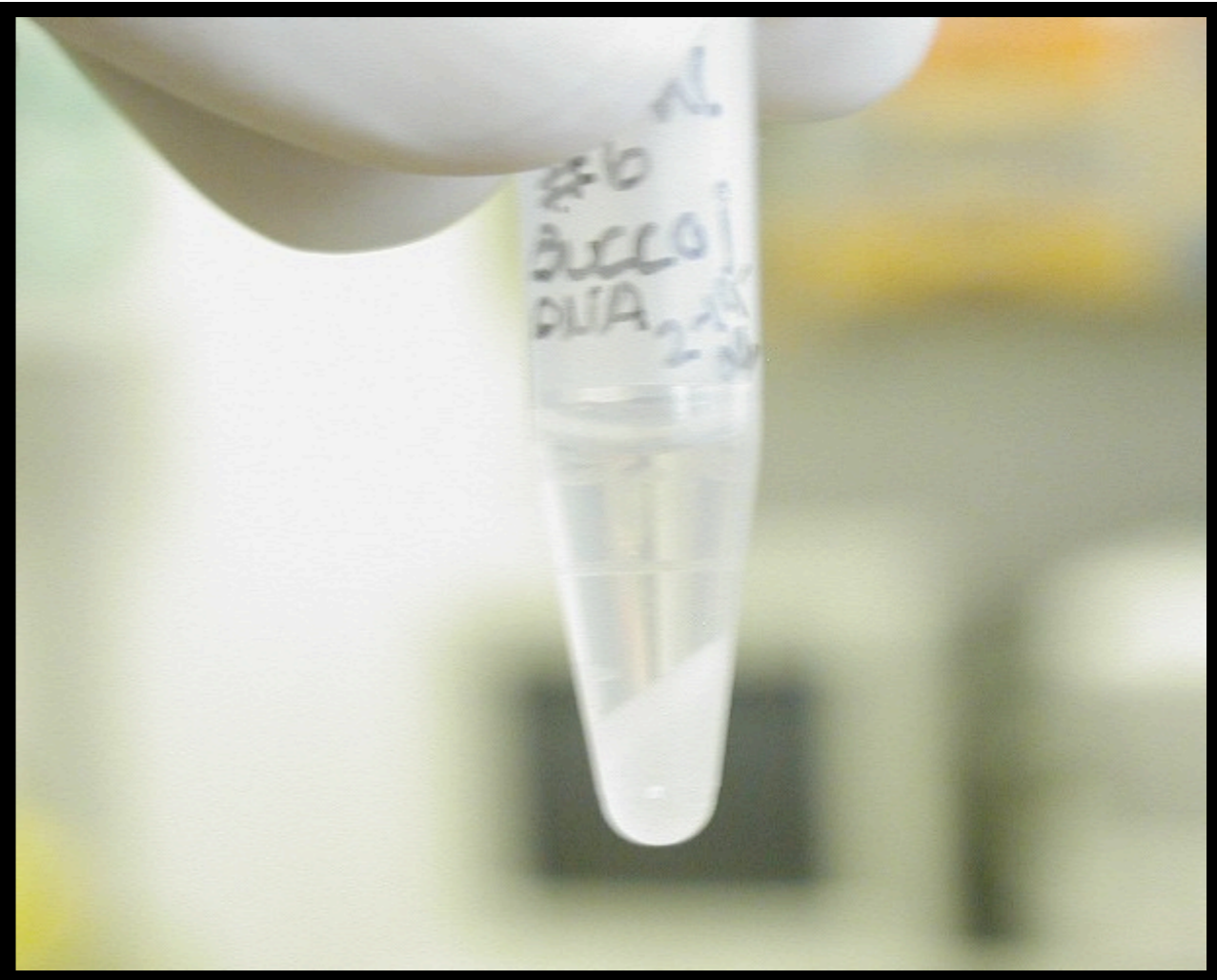
I am the Family Face
Flesh perishes, I live on,
Protecting trait and trace
Through time to times anon.
And leaping from place to place
Over oblivion.

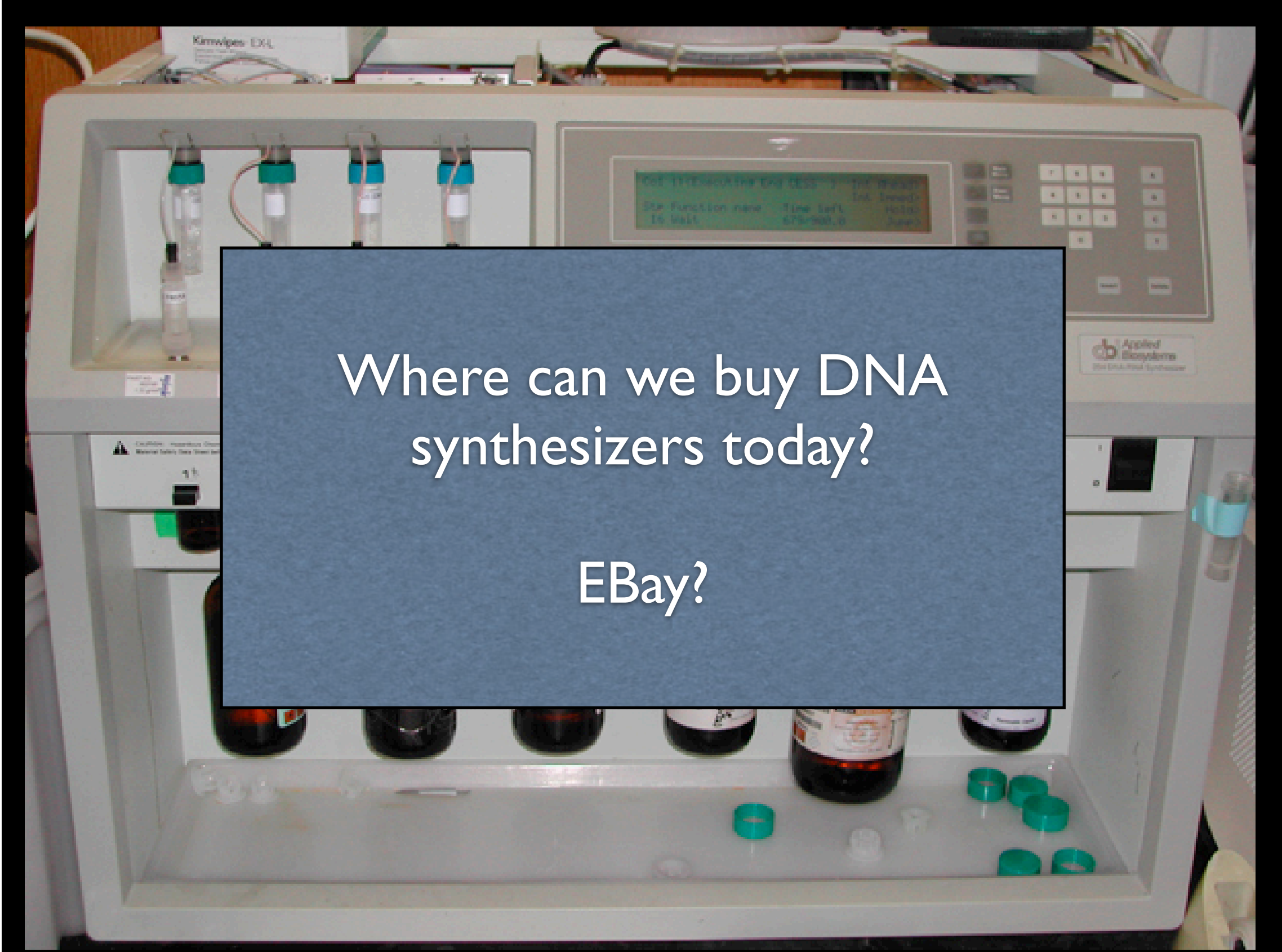
(Thomas Hardy - Heredity 1917)



J.R. Koza et al.
 Automated Synthesis of Computational
 Circuits using Genetic Programming,
 1997 IEEE International Conference on
 Evolutionary Computation

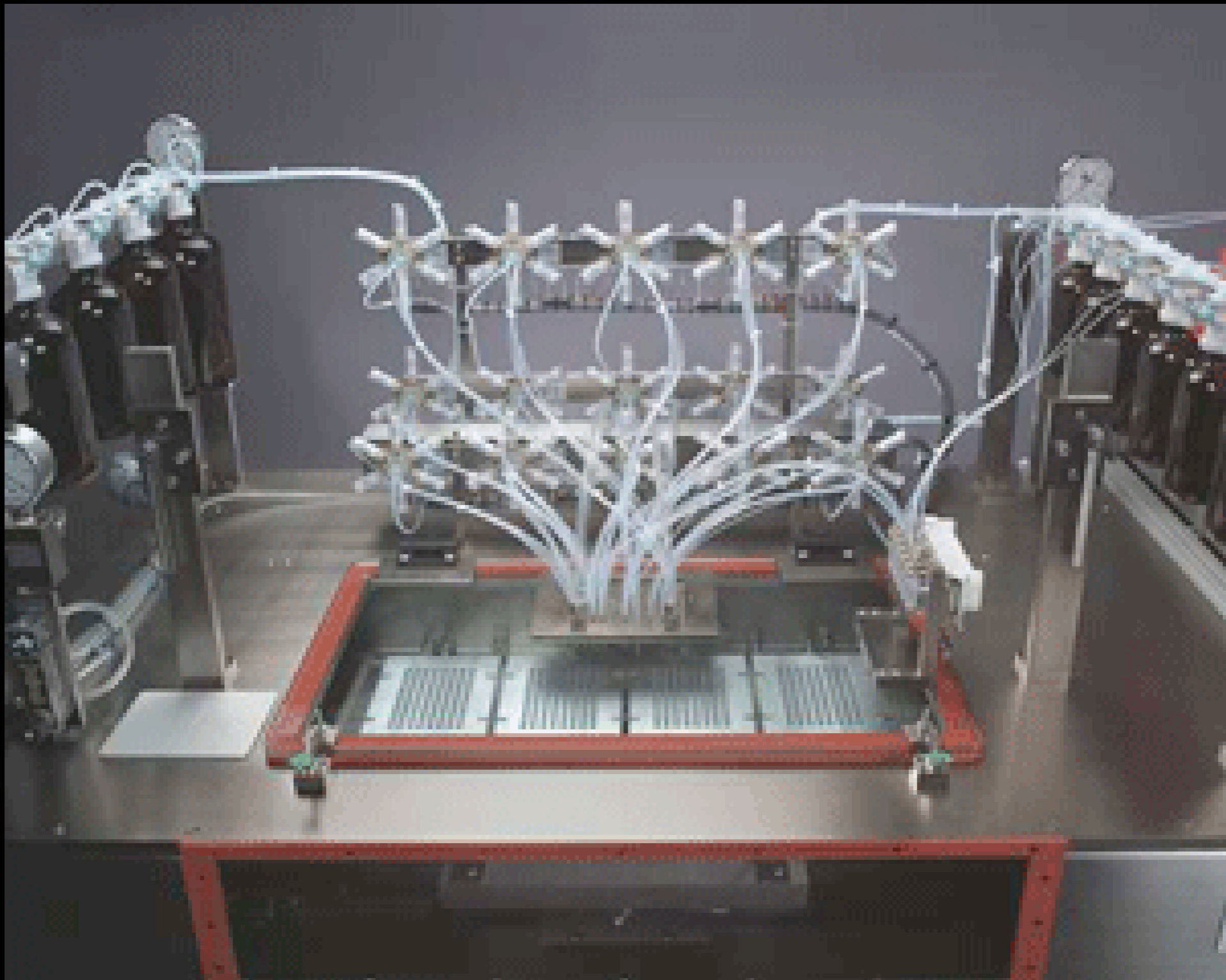




A photograph of an Applied Biosystems DNA synthesizer. The machine is white with a control panel on the right side featuring a small LCD screen and a keypad. The screen displays some text, including 'Set Temperature', 'Function name', and 'Time left'. On the left side of the machine, there are four reaction wells, each containing a vial with a green cap. Below the reaction wells, there are several bottles and more vials with green caps. The brand name 'Applied Biosystems' is visible on the right side of the machine.

Where can we buy DNA
synthesizers today?

EBay?



Refactoring bacteriophage T7

Leon Y Chan^{1,3}, Sriram Kosuri^{2,3} and Drew Endy^{2,*}

¹ Department of Biology, Massachusetts Institute of Technology, Cambridge, MA, USA and ² Division of Biological Engineering, Massachusetts Institute of Technology, Cambridge, MA, USA

³ These authors contributed equally to this work

* Corresponding author. Division of Biological Engineering, Massachusetts Institute of Technology, 68-580, 77 Massachusetts Avenue, Cambridge, MA 02139, USA. Tel.: +1 617 258 5152; Fax: +1 617 253 5865; E-mail: endy@mit.edu

Received 15.7.05; accepted 23.7.05

Natural biological systems are selected by evolution to continue to exist and evolve. Evolution likely gives rise to complicated systems that are difficult to understand and manipulate. Here, we redesign the genome of a natural biological system, bacteriophage T7, in order to specify an engineered surrogate that, if viable, would be easier to study and extend. Our initial design goals were to physically separate and enable unique manipulation of primary genetic elements. Implicit in our design are the hypotheses that overlapping genetic elements are, in aggregate, nonessential for T7 viability and that our models for the functions encoded by elements are sufficient. To test our initial design, we replaced the left 11 515 base pairs (bp) of the 39 937 bp wild-type genome with 12 179 bp of engineered DNA. The resulting chimeric genome encodes a viable bacteriophage that appears to maintain key features of the original while being simpler to model and easier to manipulate. The viability of our initial design suggests that the genomes encoding natural biological systems can be systematically redesigned and built anew in service of scientific understanding or human intention.

Molecular Systems Biology 13 September 2005; doi:10.1038/msb4100025

Subject Categories: synthetic biology

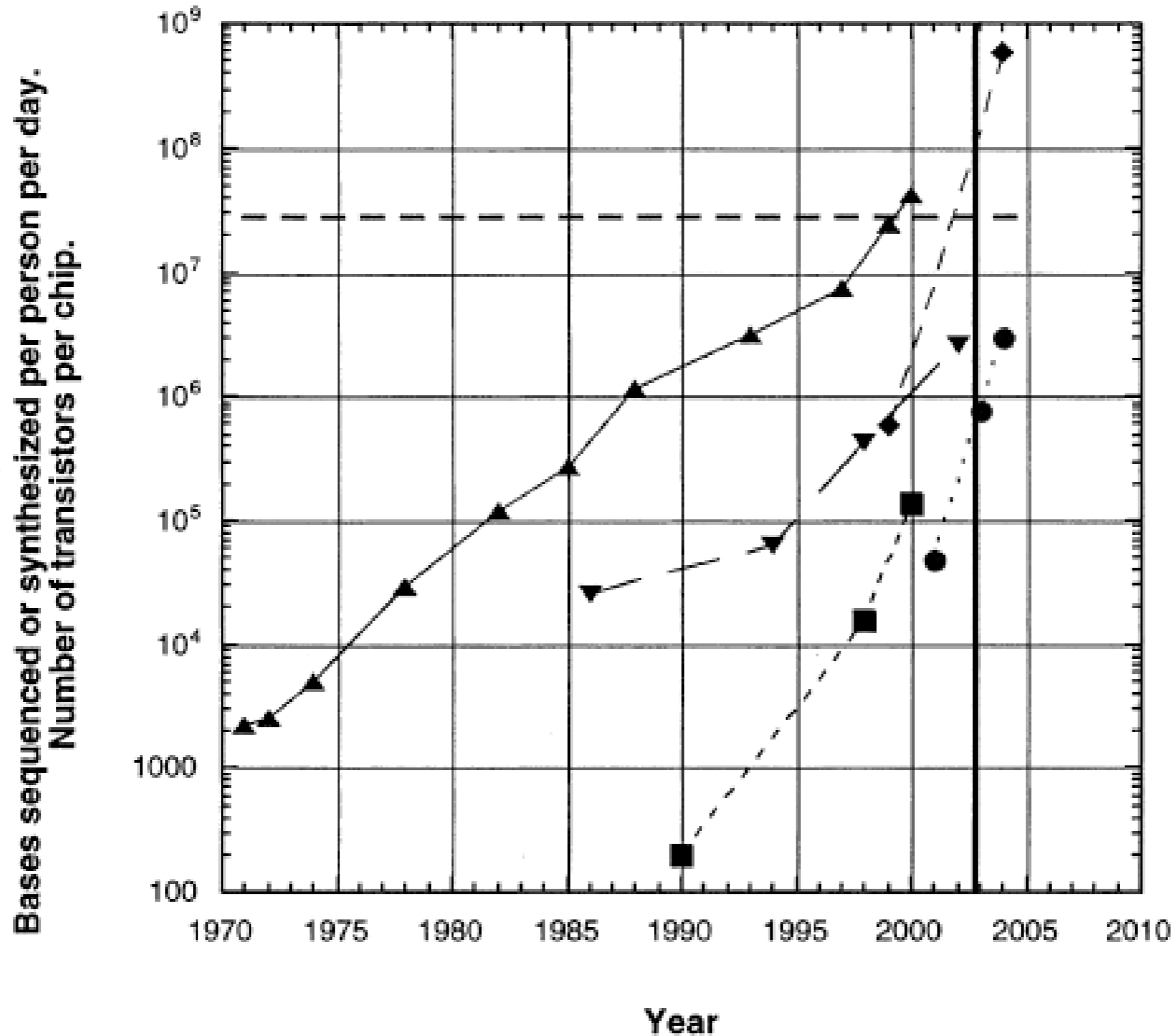
Keywords: bacteriophage T7; synthetic biology; refactor

To build section alpha, we first cloned parts 5, 6, 7, 8, 12, 13, 14, 15, 16, 18, 20, 22, and 24 into pSB104. We cloned part 11 into pSB2K3. We cloned each part with its part-specific bracketing restriction sites surrounded by additional BioBrick restriction sites. We used site-directed mutagenesis on parts 6, 7, 14, and 20 to introduce the sites U1, U2, U3, and U4, respectively. Our site-directed mutagenesis of part 20 failed. We used site-directed mutagenesis to remove a single Eco0109I restriction site from the vector pUBI19BHB carrying the scaffold Fragment 4. We cloned part 15 into this modified vector. We then cloned scaffold Fragment 4 into pREB and used serial cloning to add the following parts: 7, 8, 12, 13, 14, 16, 18, 20, 22, and 23. We digested the now-populated scaffold Fragment 4 with NheI and BclI and purified the resulting DNA. Next, we cloned parts 5 and 6 into pUBI19BHB carrying scaffold Fragment 3. We used the resulting DNA for in vitro assembly of a construct spanning from the left end of T7 to part 7. To do this, we cut wild-type T7 genomic DNA with AseI, isolated the 388 bp left-end fragment, and ligated this DNA to scaffold Fragment 2. We selected the correct ligation product by PCR. We fixed the mutation in part 3 (A1) via a two-step process. First, PCR primers with the corrected sequence for part 3 were used to amplify the two halves of the construct to the left and right ends of part 3. Second, a PCR ligation joined the two constructs. We added scaffold Fragment 3 to the above left-end construct once again by PCR ligation as described above. We repaired the mutation in part 4 (A2, A3, and R0.3) following the same procedure as with part 3. We used a right-end primer containing an MluI site to amplify the entire construct, and used the MluI site to add part 7. We used PCR to select the ligation product, digested the product with NheI, and purified the resulting DNA. We isolated the right arm of a BclI digestion of wild-type T7 genomic DNA and used ligation to add the populated left-end construct and the populated Scaffold Fragment 4. We transfected the three-way ligation product into IJ127. We purified DNA from liquid culture lysates inoculated from single plaques. We used restriction enzymes to digest the DNA and isolate the correct clones. Next, we added part 11 via three-way ligation and transfection. Because the restriction sites that bracket part 9 (RsrII) also cut wild-type T7 DNA, we needed to use in vitro assembly to add this part to a subsection of section alpha. To do this, we used PCR to amplify the region spanning parts 5–12 from the refactored genome. We cut the PCR product with RsrII and ligated part 9. We used PCR to select the correct ligation product; this PCR reaction also added a SacII site to the fragment. We digested the PCR product with SacI and SacII and cloned onto the otherwise wild-type phage. Lastly, we used the SacII site to clone part 10 onto the phage.

Get me this DNA!

Productivity Improvements in DNA Synthesis and Sequencing (as of October, 2002)

- ▲ - Number of transistors per chip
- ▼ - ABI sequencers
- ◆ - Pyrosequencing
- - ABI synthesizers
- - Egea GeneWriter
- - E Coli DNA Polymerase III



Carlson, Pace & Proliferation of Biological Technologies, Biosec. & Bioterror. 1(3):1 (2003)

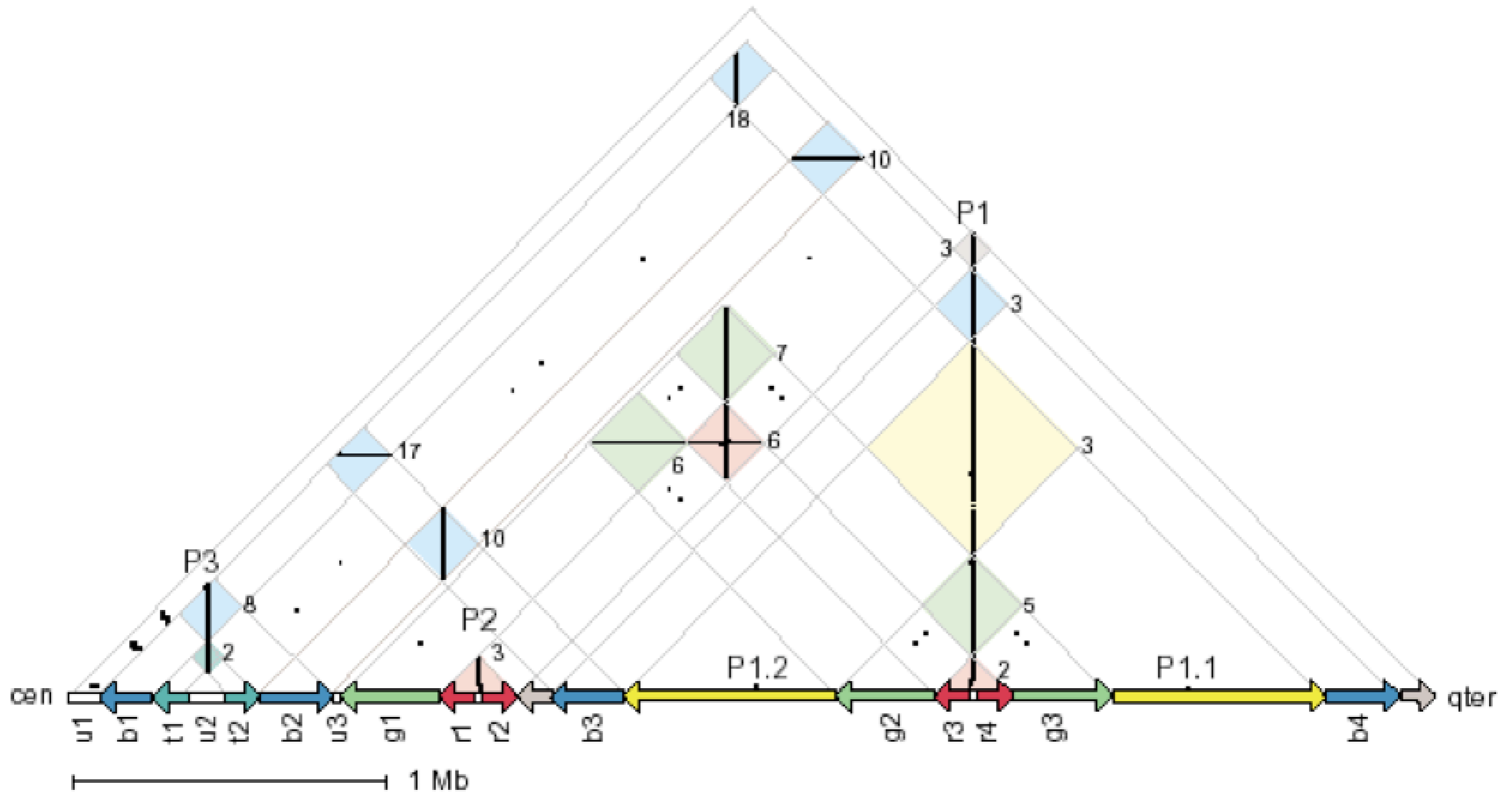
Information (DNA Sequence)

Sequencing

Synthesis

Material

DNA)



Kuroda-Kawaguchi et al., Nature Genetics 29:279 (2001)